

DIAGNÓSTICO MOLECULAR DE *STRONGYLUS SPP.* (STRONGYLOIDEA: STRONGYLINAE) PELA REAÇÃO EM CADEIA DA POLIMERASE (PCR).

A. N. DUARTE^{1,3}, M. L. A. RODRIGUES¹, A. R. BELLO², H. MOURA² & L. F. FERREIRA³.

(1) Universidade Federal Rural do Rio de Janeiro, Instituto de Biologia, Centro de Pós-Graduação em Medicina Veterinária - PV , Seropédica - RJ, Brasil. 23.851-970; (2) Universidade Estadual do Rio de Janeiro - FCM - DEP. PAT. & LAB. - Rio de Janeiro - RJ; (3) FIOCRUZ - ENSP - Rio de Janeiro - RJ.

SUMÁRIO: No presente estudo são empregadas técnicas moleculares visando amplificar através da reação em cadeia da DNA polimerase (PCR), o segundo espaço interno transcrito (ITS-2) do DNA ribossomal de *Strongylus spp.*, e comparar os mesmos aos de organismos correlatos, sugerindo metodologia que permita o diagnóstico específico. A amplificação de DNA genômico de vermes adultos e de formas larvares com oligonucleotídeos definidos a partir da sequência ITS-2 de *Caenorhabditis elegans*, resultou em seqüências com cerca de 240 pares de bases nucleotídicas. Foram também incluídos no estudo, como grupos externos, os DNAs de *Schistosoma mansoni* e *Ascaridia numidae*. Os resultados obtidos demonstram a potencialidade de aplicação desta tecnologia no diagnóstico desejado, embora ocorra a necessidade de estudos adicionais que permitam a definição de novas seqüências iniciadoras da reação de PCR que apresentem maior poder de discriminação espécie-específica.

PALAVRAS - CHAVE: *Strongylus*, Identificação de espécies, ITS-2, RFLP-PCR, Diagnóstico.